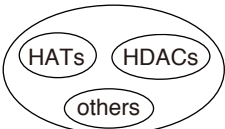
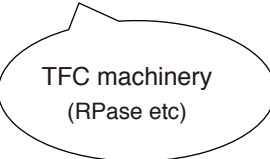




Chromatin conformation change code (4C) theory  
: A bio-system for gain of unprogramed and new  
cell function through irreversible creation of  
chromatin structure plasticity with epigenetic  
modifications via a lot of generation

メタデータ	言語: eng 出版者: 公開日: 2020-06-21 キーワード (Ja): キーワード (En): 作成者: 中山, 建男, 中山, 雅美 メールアドレス: 所属:
URL	<a href="http://hdl.handle.net/10458/5937">http://hdl.handle.net/10458/5937</a>

Figure 5

		clones	factors	E		L	
				IgM H/L (++++)		IgM H/L (-)	
<p>4C machinery</p>  <p>chromatin conformation change complex machinery</p>		cl.2-1	Pax5 Aiolos	tight	Ac (-) mRNA (-)	tight	Ac (-) mRNA (-)
			EBF1	tight	Ac (-) mRNA (-)	tight	Ac (-) mRNA (-)
			OBF1	tight (weak)	Ac (+) mRNA (++)	tight	Ac (-) mRNA (-)
W							
IgM H/L (-)							
loose	Ac (+) mRNA (++++)	cl.2-2	Pax5 Aiolos	tight	Ac (-) mRNA (-)	loose	Ac (+) mRNA (++++)
loose	Ac (+) mRNA (++++)		EBF1	tight	Ac (-) mRNA (-)	tight	Ac (-) mRNA (-)
loose	Ac (+) mRNA (++++)		OBF1	tight (weak)	Ac (+) mRNA (++)	loose	Ac (+) mRNA (++++)
<p>TFC machinery (RPase etc)</p>  <p>transcription factor complex machinery</p>		cl.2-6	Pax5 Aiolos	tight	Ac (-) mRNA (-)	loose	Ac (+) mRNA (++++)
			EBF1	tight	Ac (-) mRNA (-)	loose	Ac (+) mRNA (++++)
			OBF1	tight (weak)	Ac (+) mRNA (++)	loose	Ac (+) mRNA (++++)